

**Таблица 1.** Исследования многих лет поддерживают концепцию кишечно-мозговой сети и *наоборот*; некоторые из них, касающиеся лучшего понимания влияния, оказываемого микробиомом на пациентов с Болезнью Паркинсона, обобщены в данной таблице

Число больных	Тип исследования	Различия на уровне семьи (слева) и рода (справа) в случаях PD		Различия на уровне семьи (слева) и рода (справа) в здоровых контрольных случаях		Ссылка
75 PD 45 HC	V3 16S рРНК ген секвенирование Illumina HiSeq	Bifidobacteriaceae Eubacteriaceae Aerococcaceae Desulfovibrionaceae	—	Streptococcaceae Methylobacteriaceae Comamonadaceae Halomonadaceae Hyphomonadaceae Brucellaceae Xanthomonadaceae Lachnospiraceae Actinomycetaceae Sphingomonadaceae Pasteurellaceae Micrococcaceae Brevibacteriaceae Gemellaceae Idiomarinaceae Intrasporangiaceae Метанобактерии	—	[81]
76 PD 78 HC	Секвенирование гена V4 16S рРНК и всего метагенома секвенирование Illumina HiSeq	Verrucomicrobiaceae	Akkermansia Clostridium XIVb Anaerotruncus	—	—	[82]
197 PD 130 HC	Секвенирование гена 16S рРНК Illumina MiSeq	Bifidobacteriaceae Lactobacillaceae Christensenellaceae Verrucomicrobiaceae	Bifidobacterium Lactobacillus Akkermansia	Lachnospiraceae Pasteurellaceae	Blautia Roseburia Faecalibacterium	[83]

193 PD (лекарственно наивные 39) и (22 PSP и MSA) 113 HC	V3-V4 16S ген рРНК секвенирование Illumina MiSeq	Verrucomicrobiaceae Enterobacteriaceae Christensenellaceae Lactobacillaceae Coriobacteriaceae Bifidobacteriaceae	Akkermansia Parabacteroides Ruminococcus Oscillospira	Lachnospiraceae	Roseburia	[84]
72 PD 72 HC	V1 - V3 16S рРНК ген Пиросеквенирование	Lactobacillaceae Verrucomicrobiaceae Bradyrhizobiaceae Clostridiales	—	Prevotellaceae	—	[85]
45 PD 45 HC	V3-V4 16S ген рРНК секвенирование Illumina MiSeq	—	Clostridium IV Aquabacterium Holdemania Sphingomonas Clostridium XVIII Butyricicoccus Anaerotruncus	—	—	[86]
29 PD 29 HC	V1-V2 16S ген рРНК секвенирование Illumina MiSeq	Lactobacillaceae Barnesiellaceae Enterococcaceae	—	—	—	[87]
34 PD 34 HC	qPCR	Энтеробактерии	Akkermansia muciniphila Bifidobacterium	Prevotellaceae	Faecalibacterium prausnitzii Lactobacillaceae Enterococcaceae	[88]
38 PD 34 HC	Секвенирование гена V4 16S рРНК Illumina MiSeq	Bacteroidaceae Clostridiaceae Verrucomicrobiaceae	Bacteroides Oscillospira Akkermansia	Lachnospiraceae Coprobacillaceae	Blautia Coprococcus Dorea Roseburia	[76]

24 PD 14 HC	V3-V5 16S ген рРНК секвенирование Illumina MiSeq	Enterobacteriaceae Veillonellaceae Erysipelotrichaceae Coriobacteriaceae Streptococcaceae Moraxellaceae Enterococcaceae	Acidaminococcus Enterococcus Streptococcus Acinetobacter Escherichia- Shigella Megamonas Megasphaera Proteus	—	Blautia Faecalibacterium Ruminococcus	[89]
31 PD 28 HC	Метагеномный дробовик секвенирование Illumina HiSeq	—	Аккермания неизвестные бактерии и фирмикуты	—	Prevotella Eubacterium	[90]

PD = болезнь Паркинсона; HC = здоровый контроль; MSA = множественная системная атрофия; PSP = прогрессирующий надъядерный паралич. О типах исследования можно прочитать отдельно на следующих страницах сайта propionix: «[Секвенирование биополимеров](#)» и «[Метагеномика и микробиом](#)»